



Сертификат

#AT224-MNDV46299251

результат генетического исследования

/ Certificate on genetic testing

**VET
GENOMICS**
ВетГеномика
vetgenomics.ru
info@vetgenomics.ru
+73832990321

Кличка: Name:	ПУС ПРАЙД ТОМ КРУЗ RUS PRIDE TOM CRUISE	Дата рождения: Date of birth:	29.01.2021		
Вид: Species:	Собака Dog	Пол: Sex:	Мужской Male	Тип биоматериала: Sample type:	Буккальный эпителий Buccal swab
Порода: Breed:	Белая швейцарская овчарка White Swiss Shepherd Dog	Сверка чипа/клейма произведена: Identity of the animal is confirmed by:	Владельцем Owner		
Родословная: Pedigree:	RKF 6178005	Дата заказа исследования: Order date:	24.07.2023		
Клеймо, чип: Tattoo, microchip:	RUP 74 643099001606708				

Генетический отчет / Test report

Проведенное исследование: Test performed:	Гипофизарный дварфизм (DW) Pituitary dwarfism		
Исследуемый полиморфизм: Mutation tested:	c.622-37-31 del in the LHX3 gene		
Результат: Result:	Здоров (не несет мутации) Clear	Генотип: Allele state:	N / N
Тип наследования: Mode of inheritance:	Аутосомно-рецессивный Autosomal recessive		



Ответственный исполнитель, к.б.н.
Responsible scientist, Ph.D.

Д.А. Максимов
D.A. Maksimov



Результаты достоверны только для образцов, проанализированных в лаборатории. Точность данных о принадлежности образцов к указанному животному гарантируется только в том случае, если образцы были предоставлены в лабораторию. «ВетГеномика» не несет ответственности за ложные результаты, связанные с неверной идентификацией животного, ошибочным обозначением образцов и т.п. Проведение теста не может гарантировать выявление всех возможных источников развития заболевания. Тестирование проводится только на те нуклеотидные полиморфизмы, для которых в научной литературе опубликованная на момент проведения теста, показана достоверная связь с развитием заболевания.
The results are reliable only for samples analyzed in the laboratory. The person who provided the sample for analysis guarantees the accuracy of the matching between the sample and the indicated animal. «VetGenomics» is not liable for false results related to incorrect animal identification, erroneous designation of samples, etc. Performing the test cannot guarantee the detection of all possible sources of the disease. The test is carried out only for those nucleotide polymorphisms for which a reliable connection with the development of the disease has been shown in the scientific literature published at the time of the test.